Figure 1A

Figure 2A

Ծ		115 115 115 115	119	173 173 96	173
	MGSASESVOYIGASGFIGSWLVERLIERGIIVRAIVRDFVNERNVATLVELEGAN MDQTLTHTGSKKACVIGGTGNLASILIKHLLQSGYKVNTTVRDPENEKKIAHLRQLQEL++++ 70 80 90 . 100 110 120	SKISLWKAELTEEGSFDEAIKGCTGVFHLATPVDFKSKDPENEMIKPTIQGVLNIMKACL SKISLWKAELTEEGSFDEAIKGCTGVFHLATPVDFKSKDPENEMIKPTIQGVLNIMKACL 	GDLKIFKADLTDEDSFESSFSGCEYIFHVATPINFKSEDPEKDMIKPAIQGVINVLKSCL+++ 130 140 150 160 170 180+++	KAKTVRRLVFTSSAGTTNITEHQKPIIDETCWTDVEFCRRLNMTGWMYFVSKTLAEKE KAKTVRRLVFTSSAGTTNITEHQKPIIDETCWTDVEFCRRLNMTGWMYFVSKTLAEKE RAKGVKRVILTSSAAAVTINQLKGTDLVMDESNWTDVEYLSTAKPPTWGYPASKALAEKA	KAKTVRRLIFTSSAGTLNVIERQKPVFDDTCWSDVEFCRRVKMTGWMYFVSKTLAEKE KSKSVKRVIYTSSAAAVSINNLSGTGLVMNEENWTDIDFLTEEKPFNWGYPISKVLAEKK
408	EQ ID NO:	SEQ ID NO:4 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:8 SEQ ID NO:17	EQ ID NO:	SEQ ID NO:4 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:8	SEQ ID NO:17

Figure 2B

227 227 156 227 239	286 286 216 286 299	337 337 255 345
+++++	+	320 330 340 350 360 +++++
SEQ ID NO:4 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:8 SEQ ID NO:17 SEQ ID NO:18	SEQ ID NO:4 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:8 SEQ ID NO:17 SEQ ID NO:18	SEQ ID NO:4 SEQ ID NO:6 SEQ ID NO:8 SEQ ID NO:17 SEQ ID NO:18

339 339 256 347 342

Figure 2C

ID NO:4 ID NO:6 ID NO:8 ID NO:17 ID NO:18

SEO SEO SEO SEO SEO

Figure 3A

0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	09	1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1	O N H	174 174 174
++++++	MVISSKGKVCVTGASGFVASWLIKRLLEAGYHVIGTVRDPSNREKVSHLWRLPSAKERLQ+++ 70 80 90 100 110 120+++	IWKADLSEEGSFDDAIAGCTGVFHVATPMDFDSQDP-ENEVIKPTVEGMLSIMRACKEAG LVRADLLEEGSFDDAVMACEGVFHTASPIITNADS-KEEMLDSAINGTLNVLRSCKKNP IWKADLSDEGSFDDAIAGCTGVFHVATPMDFDSKDP-ENEVIKPTVEGMLSIMRACKEAG IWKADLSEDGSFNEAIAGCTGVFHVATPMDFDSQDP-ENEVIKPTVEGMLSIMRACKEAG	IVRADIMEEGSFDDAVMACEGVFHTASPVLAKSDSNCKEEMLVFAINGTLNVLASCAANF +++++	TVKRIVETSSAGSVNIEERQRPAYDQDNWSDIDECRRVKMTGWMYFVSKSLAEKAA FLKRVVLTSSSSTMRLRDEAEFPPNVLLDETSWSSVEFCESIQIW-YAVAKILAEKSA TVKRIVETSSAGSVNIEERQRPAYDQDNWSDIDFCRRVKMTGWMYFVSKSLAEKAA TVKRIVETSSAGSVNIEERPRPAYDQDNWSDIDYCRRVKMTGWMYFVSKALAEKAA FLKRVVLTSSSSTVRIMDESK-HPEISLDETIWSSVALCEKLQLW-YALAKISAEKAA
SEQ ID NO:12 SEQ ID NO:14 SEQ ID NO:16		SEQ ID NO:12 SEQ ID NO:14 SEQ ID NO:16 SEQ ID NO:19	Q H	SEQ ID NO:12 SEQ ID NO:14 SEQ ID NO:16 SEQ ID NO:19 SEQ ID NO:20

3B
ure
Fig

	2 2 2 2 3 3 4 4 5 3 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4	2 2 2 2 2 2 2 4 4 4 4 5 5 5 5 5 5 5 5 5	354 329 354	354 330
240	ILDDY HIDDY HIDDL HIDDL HIDDL	+ 300 + CGYNT HESS HESS HESS	360 360 + CGAET REGAA	QAIGAET lecpl
230	ILKQVQLVF ILFGRMGYVF ILKQVQLVF ILKQVQLVF	+	+	LAAGEGQAI
220	-+ ITGNEAHYS ITGNEAHYS ITGNEAHYS ILQGDTDRFI	+	340 + PPAAGGKLGP 	APAAGGKLGA
+	GMPPSLVTALAI VLGPTASDVLGI GMPPSLVTALAI GMPPSLVTALAI ELSVTASDILGI	+++++	310 320 330 340 350 3 +	IGFSFRYTTEDMFDAAIHTCRDKGLIPLGDVPAPAAGGKLGALAAGEGQAIGAET .GFKFK-GVQEMFGDCVESLKDQGHLLECPL
	PTLVVGPFLSA PTLVVGPFLSA PTLVVGPFLSA PTLVVGPFLSA PSFVIGPSLSA	260 260 + RYICSSHDATI RYICSSHDATI RYICSSHDATI RYICSSHDATI RYICSSHDATI	310 320 330 +	GESFRYTTEDMEDAAIHTCRDKGLIP GFKFK-GVQEMFGDCVESLKDQGHL-
	MEYASENGLDFISIIPTLVVGPFLSAGMPPSLVTALALITGNEAHYSILKQVQLVHLDDL WEFAKENNIDLVAVLPTFIIGPNLSPVLGPTASDVLGLFKGETEKFTIFGRMGYVHIDDV MEYASENGLDFISIIPTLVVGPFLSAGMPPSLVTALALITGNEAHYSILKQVQLVHLDDL MEYASENGLDFISIIPTLVVGPFLSAGMPPSLVTALALITGNEAHYSILKQVQLVHLDDL WEFAKENNIDLVTVLPSFVIGPSLSHELSVTASDILGLLQGDTDRFISYGRMGYVHIDDV		310 SKLLDHGFSFRYTAE SKIRKLGLEFR-GVE	KKLLDHGFSFRYTTE SKIQQLGFKFK-GVQ
	SEQ ID NO:12 SEQ ID NO:14 SEQ ID NO:16 SEQ ID NO:19 SEQ ID NO:20	SEQ ID NO:12 SEQ ID NO:14 SEQ ID NO:16 SEQ ID NO:19 SEQ ID NO:20		